



**Stellungnahme der ZKBS**  
**zur Risikobewertung von *Eubacterium barkeri* als Spender- oder**  
**Empfängerorganismus bei gentechnischen Arbeiten gemäß § 5 Absatz 1 GenTSV**

**Allgemeines**

*Eubacterium barkeri* (früher *Clostridium barkeri*) ist ein anaerobes stäbchenförmiges Gram-positives Bakterium aus der Klasse der Firmicutes, das hitzeresistente Sporen bildet. Es wurde aus dem Schlamm eines Flusses isoliert [1]. Nach der Sequenzierung seiner 16S rRNA wurde es der Gattung *Eubacterium* zugeordnet [2]. Es ist Teil der menschlichen Darmflora [3], ist aber nicht als Krankheitserreger bekannt [4].

**Empfehlung**

Nach § 5 Absatz 1 GenTSV i.V.m. den Kriterien im Anhang I GenTSV wird *Eubacterium barkeri* als Spender- und Empfängerorganismus für gentechnische Arbeiten der **Risikogruppe 1** zugeordnet.

**Begründung**

Es sind weder beim Menschen, noch bei Tieren oder Pflanzen Erkrankungen bekannt, die mit *E. barkeri* in Verbindung stehen. Daher wird *E. barkeri* der **Risikogruppe 1** zugeordnet.

**Literatur**

- [1] Stadtman ER, Stadtman TC, Pastan I, Smith LDs (1972). *Clostridium barkeri* sp. n.. J Bacteriol 110(2): 758-60
- [2] Collins MD, Lawson PA, Willems A, Cordoba JJ, Fernandez-Garayzabal J, Garcia P, Cai J, Hippe H, Farrow JAE (1994). The phylogeny of the genus *Clostridium*: Proposal of five new genera and eleven new species combinations. Int J Syst Bacteriol. 44(4): 812-26
- [3] Finegold SM, Attebery HR, Sutter VL (1974). Effect of diet on human fecal flora: comparison of japanese and american diets. Am J Clin Nutr. 27:1456-69
- [4] Wade WG (2006). The genus *Eubacterium* and related genera. Prokaryotes. 4:823-35